

38-21(52743)B

Figure 1

Alignment Of Conserved Amino Acid Sequences

SEQ ID NO:7	AKPPIIVTRDSPNALRSHVLEVPADIVESVSTYARRRGVSVLGGNGTVSNVTLRQ	VVTLHGRFEIILSLTGTVLPPAPPAGGGLTFLAGGQGV
SEQ ID NO:8	PKPPTIITRDSFNLRSRSHVLEVTSGSDISEAVSTYATRRGCVCIISGTGAVTNVTLRQ	VITLHGRFDIILSLTGTALPPAPPAGGGLTFLAGGQGV
SEQ ID NO:9	PKSPIIVARDSFNLRSRSHVLEISGSDIVDSVWGYARRRGVSVLGGNGTVSNVTLRQ	VVTLHGRFEIILSLTGTSLPPAPPAGGGLTFLAGVQGV
SEQ ID NO:10	PKPPIIVTRDSPNALRSHVLEVAGGADVDCVAYARRRGVSVLGGNGTVSNVTLRQ	VATLRGRFEIILSLTGTVLPPAPPAGGGLTFLAGGQGV
SEQ ID NO:11	-K-P-I--RDSFN-L-SHVLE---G-D-----V--YA-RRG-GV-----G-G-V-WV--EQ-----V-TL-GRF-ILSLAGT-LPPAPPAGGGL--LAG-QGV	